

ÖNÉLETRAJZ

DOSZTÁNYI ZSUZSANNA

Biokémia Tanszék
Eötvös Lorán Tudományegyetem
Budapest, 1117
Pázmány Péter stny 1/C.

tel: +36-1-372-2500/8357
e-mail: dosztanyi@caesar.elte.hu
<http://dosztanyi.web.elte.hu>
Resarcher ID: G-6422-2010

Tanulmányok, fokozatok

1999	Phd fokozat, Eötvös Loránd Tudományegyetem, Szerkezeti Biokémia Doktori Program, Témavezető: Simon István
1994-1998	PhD hallgató, Eötvös Loránd Tudományegyetem
1994	Okleveles fizikus/ biofizikus Eötvös Loránd Tudományegyetem Témavezető: Simon István
1988-1994	Fizikus szak, biofizikus szakágazat, Eötvös Loránd Tudományegyetem

Munkahelyek, tanulmányutak

2014-	Tudományos főmunkatárs, ELTE TTK Biokémia Tanszék
2003-2014	Tudományos főmunkatárs, Enzimológiai Intézet
2008-2009	Posztdoktor, Columbia University New York(USA)
2002-2003	Tudományos munkatárs, Enzimológiai Intézet
1999-2002	Posztdoktor, Australian National University (AUS)
1994-1998	Tudományos segédmunkatárs, Enzimológiai Intézet

Elismerések, díjak

1997	Qualitas Biologica Alapítvány díja
1997	Soros Ösztöndíj
2003-2007	Bolyai János Ösztöndíj
2004	Akadémiai Ifjúsági Díj
2010-2013	Bolyai János Ösztöndíj
2014	MTA Lendület

Szakdolgozati témavezetés

Mészáros Bálint (2006-2007), Sándor Márk (2006-2007), Pajkos Mátyás (2010-2012), Hudák Valéria (2014-2015), Erdős Gábor (2015-2016)

Doktori témavezetés

Mészáros Bálint (2008-2013), Pajkos Mátyás (2013-), Szaniszló Tamás (2015-), Hajdu- Soltész Borbála (2015-), Erdős Gábor (2016-)

Kutatási terület

Számítógépes biológia, Bioinformatika, Fehérje biofizika;
Térszerkezet predikciók, Fehérje-fehérje kölcsönhatások;
Rendezetlen fehérjék, Lineáris motívumok;
Rák genom projektek, biomarker kutatás

Tudományos tagság

Magyar Biokémiai Társaság
Magyar Biofizikai Társaság
Magyar Bioinformatikai Társaság

Tudományos közéleti tevékenység

- 2016 - OTKA bíráló bizottsági tag
2016 Fő szervezője az "EMBO Practical Course on Computational analysis of protein-protein interactions: Sequences, networks and diseases" kurzusnak Budapest, Hungary
2015 - "Non-globular proteins COST Action BM1405"
Work Group Leader WG2 "Intrinsic disorder", Core Group tag,
Management Committee tag
2014 - Akadémiai Kutatóhelyek Vezetőinek Tanácsa (AKTV) tag
2013 - Magyar Bioinformatikai Társaság – elnökségi tag

Pályázati támogatások

- OTKA – K 108798 13/09/09-17/08/31
A rendezetlen fehérjék funkcionális helyei
vezető kutató
- MTA Lendület – LP2014-18 14/09/01-(19/08/31)
Lineáris motívumok által közvetített fehérje kölcsönhatások nagyskálás feltérképezése
vezető kutató

Meghívott előadások: Konferenciák, szemináriumok

- 2015 1st NGP-net Symposium on Non-Globular Proteins, Porto, Portugal, Oct 6 – 9th
2015 A day in the life of intrinsically disordered proteins: from computation to experiments, Paris, France, Oct 26
2012 Protein Disorder, Cancer Genomics Workshop, Memphis, St Jude Hospital, Aug 17
2010 Intrinsically Disordered Proteins, Gordon Research Conference, Davidson, NC, Jul 3-8
2009 Disordered region prediction meeting , EBI, Hinxton, UK Nov 23
2009 Protein Structure Prediction Workshop, Budapest, Hungary Aug 26-29
2007 Intrinsically Unfolded Proteins (IUP), EMBO/SPINE2 meeting Budapest Hungary
2007 9th International Northern-European Bioinformatics Conference, Umea, Sweden Jun 4-7
2006 Workshop on the Definition of Protein Domains and their Likelihood of Crystallization Vienna, Austria Jun 28-30

Meghívott előadások: Gyakorlati kurzusok

- 2016 NGP-net Winter School on computational methods for non-globular proteins, Bressanone/Brixen, Italy, Febr 15 – 19
2015 EMBO Practical Course Computational analysis of protein-protein interactions: From sequences to networks, 28 Sept – 3 Oct, Norwich, UK
2014 EMBO Practical Course Computational analysis of protein-protein interactions: From sequences to networks, 28 Sept – 3 Oct, Cape Town, South Africa
2013 EMBL-Australia Masterclass on Protein Sequence Analysis Sydney, Australia, Oct 21 – 25
2012 EMBO Practical Course Computational analysis of protein-protein interactions for bench biologists, Berlin, Germany Sept 2 – 8
2011 IDPbyNMR , Budapest, Hungary, Oct 10 – 14

2011 EMBO Practical Course, Protein Bioinformatics Tools, Focus on Regulatory Proteins: Sequences, Structures, Interactions, Networks, Heidelberg, Germany, Sept 25 – 30

Bírálat

Cikkek: Bioinformatics, BMC Bioinformatics, Journal of Molecular Biology, Science Proteins, Plos One, Plos Computational Biology, Nucleic Acids Research,
Pályázatok: OTKA, Román kutatási pályázatok, ERC

Tudományos szoftverek

Fő szerző:

IUPred Fehérjék rendezett és rendezetlen résziének predikciója
program csomag and web szerver
<http://iupred.enzim.hu>

ANCHOR Prediction of disordered binding regions in proteins
(Bálint Mészárosal)
program csomag and web szerver
<http://anchor.enzim.hu>

Részvétel egyéb adatbázisokban és web szerverekben:

D2P2, Scide, SCPred, TMDet, PDBTM (version 1), Disprot, InterPro

Publikációs tevékenység

Közlemények száma :	38
Összesített impact faktor :	136
Hivatkozások száma :	2882
h-index :	20